

RMSGGP3	Y	K	E	E	F	Q	K	C	K	C	K	E	E	L	E	K	Y	C	K	E	L	K	E	A	D	K	N	L	E	N	V	D	D	K	V
HMSGp1	S	K	D	D	K	K	K	C	E	K	E	K	L	L	E	K	H	C	K	E	L	S	E	A	N	L	T	P	E	Q	V	H	E	K	L
HMSGp3	Y	E	N	D	N	D	K	C	K	K	T	K	L	L	E	K	E	Y	C	E	V	L	N	V	G	E	P	K	K	L	V	E	E	K	L
HMSGl1	G	L	E	D	T	T	K	C	K	K	T	K	L	L	E	E	Y	Y	C	T	L	T	N	A	G	L	N	P	E	K	V	H	E	K	L
HMSGl4	G	L	E	D	T	T	K	C	K	K	T	K	L	L	E	E	Y	Y	C	T	L	T	N	A	G	L	N	P	E	K	V	H	E	K	L
HMSG32	Y	N	-	D	N	E	K	C	K	K	E	L	L	L	E	K	Y	Y	C	T	L	T	D	A	E	L	K	P	E	K	V	H	K	K	L
HMSG33	A	M	E	D	T	T	K	C	K	K	S	L	L	L	E	E	Y	Y	C	E	L	L	K	A	S	L	D	M	E	K	V	H	K	M	L
HMSG35	G	L	S	E	Q	E	K	C	K	K	K	L	L	I	E	K	Y	Y	C	Q	E	L	E	A	K	L	N	I	E	Q	V	H	R	K	L
GBHMSG	Y	K	D	E	S	S	K	C	K	K	N	K	I	K	E	Y	Y	C	D	G	L	K	N	A	S	L	T	S	E	E	V	H	K	E	L

RMSGGP3	K	G	L	C	D	D	K	-	-	-	-	K	R	D	E	K	C	C	K	C	K	D	V	E	D	E	L	K	D	F	E	91
HMSGp1	K	D	F	C	D	S	K	-	-	-	-	K	R	D	K	K	C	C	K	C	K	D	V	E	K	L	G	D	F	E	91	
HMSGp3	D	G	I	C	K	D	D	K	-	-	-	T	I	E	A	K	C	C	K	C	K	D	V	K	A	C	T	S	F	Q	90	
HMSG11	K	D	F	C	D	N	G	-	-	-	-	K	R	N	E	K	C	C	K	C	K	D	V	N	Q	C	I	K	F	Q	89	
HMSG14	K	D	F	C	D	N	G	-	-	-	-	K	R	N	E	K	C	C	K	C	K	D	V	N	Q	C	I	K	F	Q	89	
HMSG32	K	E	F	C	E	N	K	-	-	-	-	K	A	D	S	K	C	C	K	C	K	L	V	T	Q	C	T	A	I	K	G	91
HMSG33	K	D	F	C	G	N	G	K	A	S	A	K	A	N	T	K	C	C	K	C	K	D	V	T	G	C	T	N	F	K	-	92
HMSG35	K	G	F	C	E	D	G	-	-	-	-	K	A	D	T	K	C	C	K	C	K	I	V	E	K	C	T	T	I	K	G	89
GBHMSG	K	D	F	C	K	D	G	-	-	-	-	S	Q	G	K	K	C	C	E	L	K	V	E	A	K	C	N	N	F	K	T	90

FIGURE 1A

FIGURE 1C

FIGURE 1D

	406	418	409	419	419	423	410	412	421
RMSGGP3	S	T	E	Y	D	D	D	D	D
HMSGp1	F	G	D	N	-	-	-	-	-
HMSGp3	P	A	N	-	-	-	-	-	-
HMSGl1	Y	I	S	-	-	-	-	-	-
HMSGl4	Y	I	S	-	-	-	-	-	-
HMSG32	S	G	S	-	-	-	-	-	-
HMSG33	Y	D	P	-	-	-	-	-	-
HMSG35	F	D	P	T	K	-	-	-	-
GBHMSG	S	G	S	-	-	-	-	-	-

Protein	438	447	438	449	449	452	440	442	451
RMSGGP3	C	F	Y	Y	Y	Y	Y	Y	C
HMSGp1	C	L	Y	Y	Y	Y	Y	Y	C
HMSGp3	C	F	Y	Y	Y	Y	Y	Y	C
HMSG11	C	F	Y	Y	Y	Y	Y	Y	C
HMSG14	C	F	Y	Y	Y	Y	Y	Y	C
HMSG32	C	F	Y	Y	Y	Y	Y	Y	C
HMSG33	C	F	Y	Y	Y	Y	Y	Y	C
HMSG35	C	F	Y	Y	Y	Y	Y	Y	C
GBHMSG	C	F	Y	Y	Y	Y	Y	Y	C

FIGURE 1E

RMSGGP3	L	N	K	F	F	Q	K	E	L	K	G	K	L	G	H	V	R	F	Y	S	D	P	K	C	K	K	Y	V	V	E	N	470
HMSGp1	A	N	E	V	V	Q	K	E	A	E	G	M	L	H	G	S	-	N	K	T	W	L	S	Q	K	K	N	L	I	E	V	478
HMSGp3	A	N	E	A	L	Q	K	K	L	L	G	K	L	Q	G	S	-	N	R	T	W	L	F	Q	K	K	N	L	V	E	V	469
HMSG11	A	N	S	V	L	Q	K	K	L	L	G	K	L	H	G	S	-	N	R	T	W	L	F	Q	K	K	N	L	V	E	V	480
HMSG14	A	N	S	V	L	Q	K	K	L	L	G	K	L	H	G	S	-	N	R	T	W	L	F	Q	K	K	N	L	V	E	V	480
HMSG32	A	N	E	A	L	Q	K	K	L	L	G	K	L	H	G	S	-	N	Q	S	W	L	F	Q	K	K	N	L	V	E	V	483
HMSG33	A	N	K	V	L	Q	K	E	L	L	R	G	L	H	G	S	-	N	Q	S	W	L	F	Q	K	K	N	L	V	E	V	471
HMSG35	A	N	K	V	L	Q	K	E	L	L	R	G	L	H	G	S	-	N	Q	S	W	L	F	Q	K	K	N	L	V	E	V	473
GBHMSG	A	N	K	V	L	Q	K	E	L	L	R	G	L	H	G	S	-	N	Q	S	W	L	F	Q	K	K	N	L	V	E	V	482
RMSGGP3	C	T	K	L	D	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	Y	P	R	C	L	E	L	C	Y	G	L	S	S	493	
HMSGp1	C	K	K	V	K	K	K	K	K	K	K	K	K	K	K	K	K	E	L	L	L	L	L	L	L	L	L	L	L	L	L	510
HMSGp3	C	E	K	T	K	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	L	P	L	C	P	P	P	P	P	P	P	P	P	P	495
HMSG11	C	E	K	L	K	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	F	V	L	C	I	I	I	I	I	I	I	I	I	I	511
HMSG14	C	E	K	L	K	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	F	V	L	C	I	I	I	I	I	I	I	I	I	I	511
HMSG32	C	S	E	L	K	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	F	V	L	C	I	I	I	I	I	I	I	I	I	I	509
HMSG33	C	S	E	L	K	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	F	V	L	C	I	I	I	I	I	I	I	I	I	I	502
HMSG35	C	S	E	L	K	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	F	V	L	C	I	I	I	I	I	I	I	I	I	I	505
GBHMSG	C	S	E	L	K	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	F	V	L	C	I	I	I	I	I	I	I	I	I	I	514
RMSGGP3	N	D	I	F	L	Q	K	S	K	I	E	L	L	L	L	L	L	Q	R	D	P	L	K	D	C	V	E	L	K	E	K	525
HMSGp1	H	D	L	R	M	K	R	T	A	V	V	F	L	L	L	L	L	K	R	D	P	L	K	D	C	V	E	L	K	E	K	542
HMSGp3	T	D	L	R	M	K	R	T	A	V	V	F	L	L	L	L	L	K	R	D	P	L	K	D	C	V	E	L	K	E	K	527
HMSG11	H	D	L	R	M	K	R	T	A	V	V	F	L	L	L	L	L	K	R	D	P	L	K	D	C	V	E	L	K	E	K	543
HMSG14	H	D	L	R	M	K	R	T	A	V	V	F	L	L	L	L	L	K	R	D	P	L	K	D	C	V	E	L	K	E	K	543
HMSG32	A	D	I	Q	Q	A	R	V	A	V	V	F	L	L	L	L	L	K	R	D	P	L	K	D	C	V	E	L	K	E	K	541
HMSG33	H	D	L	R	M	K	R	T	A	V	V	F	L	L	L	L	L	K	R	D	P	L	K	D	C	V	E	L	K	E	K	534
HMSG35	H	D	L	R	M	K	R	T	A	V	V	F	L	L	L	L	L	K	R	D	P	L	K	D	C	V	E	L	K	E	K	538
GBHMSG	H	D	L	R	M	K	R	T	A	V	V	F	L	L	L	L	L	K	R	D	P	L	K	D	C	V	E	L	K	E	K	546

FIGURE 1F

RMSGGP3	R	N	V	F	L	E	K	K	D	D	S	L	M	T	Q	D	C	T	K	A	L	H	E	K	C	H	Q	L	Y	R	R
HMSGp1	K	E	L	L	L	N	E	H	K	D	I	L	K	N	Q	E	C	G	M	Y	L	K	E	K	C	N	E	W	S	R	R
HMSGp3	E	E	E	L	L	K	E	N	K	G	Y	L	K	D	E	N	C	K	E	E	A	K	R	C	C	E	K	W	F	R	R
HMSG11	K	Q	I	L	L	D	E	H	K	D	T	L	K	S	H	N	C	A	K	Y	L	R	K	C	C	H	K	W	S	R	R
HMSG14	K	Q	V	L	L	D	E	H	K	D	T	L	K	D	Q	E	C	V	K	Y	L	R	K	C	C	N	W	S	R	R	
HMSG32	K	Q	V	L	L	D	E	H	K	D	T	L	R	T	H	N	C	T	K	Y	L	R	K	C	C	H	W	S	R	R	
HMSG33	K	Q	V	L	L	D	E	H	K	D	T	L	K	D	Q	E	C	V	K	Y	L	R	K	C	C	N	W	S	R	R	
HMSG35	K	Q	V	L	L	D	E	H	K	D	T	L	K	D	Q	E	C	V	K	Y	L	R	K	C	C	N	W	S	R	R	
GBHMSG	K	Q	V	L	L	N	E	H	K	D	T	L	K	T	H	E	C	V	T	Y	L	K	E	K	C	N	W	S	R	R	

7/13

RMSGGP3	R	K	N	S	F	S	V	C	A	L	P	E	T	C	S	Y	M	V	F	H	T	S	D	Q	C	S	L	K	V
HMSGp1	R	N	E	F	F	S	L	C	A	L	Q	N	T	C	R	I	M	V	E	D	V	K	N	Q	C	S	F	E	K
HMSGp3	E	N	N	F	F	S	A	C	S	D	L	E	V	C	K	M	I	T	R	N	V	E	S	K	C	I	L	K	K
HMSG11	G	D	D	S	S	S	V	C	V	F	Q	N	T	C	E	M	I	V	K	D	V	Q	R	C	E	V	F	E	K
HMSG14	G	D	D	S	S	S	V	C	V	F	Q	N	T	C	E	M	I	V	K	D	V	K	R	C	E	V	F	E	K
HMSG32	G	D	D	S	S	S	V	C	V	F	Q	N	T	C	E	M	I	V	K	D	V	K	R	C	E	V	F	E	K
HMSG33	G	D	D	S	S	S	V	C	V	F	Q	N	T	C	E	M	I	V	K	D	V	K	R	C	E	V	F	E	K
HMSG35	G	D	D	S	S	S	V	C	V	F	Q	N	T	C	E	M	I	V	K	D	V	K	R	C	E	V	F	E	K
GBHMSG	G	D	D	S	S	S	V	C	V	F	Q	N	T	C	E	M	I	V	K	D	V	K	R	C	E	V	F	E	K

FIGURE 1G

RMSGGP3	E	K	C	N	K	P	T	F	E	K	R	L	D	L	E	E	A	L	L	S	H	L	K	L	D	K	C	E	715
HMSGp1	K	Y	C	K	C	P	Y	Y	K	Q	E	A	R	D	E	N	A	V	L	I	F	G	L	D	K	C	E	716	
HMSGp3	K	K	C	K	C	S	F	L	E	K	R	V	E	L	E	N	K	L	L	V	G	S	L	S	N	E	C	N	703
HMSG11	K	Y	C	E	C	P	F	Y	K	R	K	A	V	L	E	D	A	L	L	K	G	N	S	T	I	K	E	P	723
HMSG14	K	H	C	E	C	P	F	Y	K	R	K	A	V	L	E	D	A	L	L	V	G	N	S	T	I	K	E	P	722
HMSG32	K	Y	C	E	C	P	F	Y	K	R	K	A	V	L	E	D	A	L	L	V	G	N	S	T	I	K	E	S	721
HMSG33	K	H	C	E	C	P	F	Y	K	R	K	A	V	L	E	D	A	L	L	V	G	N	S	T	I	K	E	P	713
HMSG35	K	H	C	E	C	P	F	Y	K	R	K	A	V	L	E	D	A	L	L	V	G	N	S	T	I	K	E	P	716
GBHMSG	N	N	C	K	C	P	F	Y	E	R	K	A	A	L	E	D	A	L	L	V	G	N	S	T	I	K	E	A	726

FIGURE 1H

[illegible]

	799	805	793	818	816	815	807	810	820
RMSGGP3	P	T	A	V	I	V	I	I	V
HMSGp1	R	T	R	L	L	F	L	L	F
HMSGp3	S	S	S	S	S	S	S	S	S
HMSG11	L	F	L	L	L	L	L	L	L
HMSG14	L	V	I	V	V	V	V	V	V
HMSG32	L	L	L	L	L	L	L	L	L
HMSG33	K	N	N	S	S	N	S	S	S
HMSG35	A	T	A	S	S	S	S	S	S
GBHMSG	A	E	D	K	K	K	K	K	K
	T	E	E	N	N	N	N	N	N
	S	M	M	M	M	M	M	M	M
	K	A	A	A	A	T	A	A	A
	E	K	N	K	K	E	K	E	K
	A	T	A	A	A	A	A	A	A
	K	K	E	E	K	K	K	K	E
	L	V	I	L	L	L	L	L	L
	D	K	K	E	E	K	E	E	E
	Y	Y	Y	Y	Y	F	Y	Y	Y
	E	D	K	T	T	T	T	T	T
	N	K	E	K	K	E	K	K	K
	K	H	E	V	Y	F	Y	Y	V
	M	K	K	D	D	D	D	D	D
	T	E	K	K	K	D	K	K	K
	L	L	L	L	L	L	L	L	L
	E	D	V	S	D	D	D	D	D
	K	N	E	K	A	K	A	A	A
	K	K	E	K	A	E	A	A	A
	K	K	E	K	A	E	A	A	A

FIGURE 11

RMSGGP3	R	Q	T	V	M	P	N	A	Q	N	G	S	D	S	T	L	V	P	P	P	P	Q	A	P	A	G	P	P	P	P	G	S	831	
HMSGp1	K	-	-	-	-	S	T	D	N	K	T	E	K	G	-	V	K	P	S	T	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	820	
HMSGp3	K	-	-	-	-	G	P	D	N	N	T	N	K	-	S	V	N	K	D	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	807	
HMSG11	K	-	-	-	-	K	N	E	S	N	T	S	K	N	N	S	K	N	K	D	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	834	
HMSG14	K	-	-	-	-	K	N	E	S	N	V	S	K	N	N	S	K	N	K	D	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	832	
HMSG32	K	-	-	-	-	K	D	E	N	N	T	S	K	N	S	S	K	N	K	D	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	831	
HMSG33	K	-	-	-	-	K	N	E	S	N	V	S	K	N	S	S	K	N	K	D	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	823	
HMSG35	K	-	-	-	-	K	N	E	S	N	V	S	K	N	S	S	K	N	K	D	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	826	
GBHMSG	K	-	-	-	-	K	D	G	N	N	T	P	K	N	N	S	K	S	E	D	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	836	
RMSGGP3	P	P	P	P	P	S	Q	N	G	T	P	G	T	P	G	G	E	T	G	A	S	G	T	P	G	T	P	G	T	P	G	G	863	
HMSGp1	-	-	P	S	V	V	Q	D	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	826	
HMSGp3	-	-	S	S	D	T	P	K	-	E	G	K	G	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	817	
HMSG11	-	-	K	N	V	V	S	N	G	L	Q	D	T	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	845	
HMSG14	-	-	K	N	A	V	S	N	G	L	Q	D	T	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	843	
HMSG32	-	-	K	N	T	V	S	N	G	L	Q	D	T	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	842	
HMSG33	-	-	K	N	A	V	S	N	G	L	Q	D	T	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	834	
HMSG35	-	-	K	N	A	V	S	N	G	L	Q	D	T	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	837	
GBHMSG	-	-	K	N	V	V	S	N	-	E	K	D	T	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	847	
RMSGGP3	T	P	G	T	P	G	M	M	K	Y	A	K	H	L	G	L	V	K	R	R	T	Y	D	G	G	V	S	E	V	E	V	K	895	
HMSGp1	-	-	-	-	-	-	-	-	-	I	V	K	F	F	K	L	V	K	R	N	E	K	-	V	Q	V	T	E	E	E	A	K	847	
HMSGp3	-	-	-	-	-	-	-	-	-	T	T	G	G	Y	K	L	V	R	R	N	A	K	-	V	H	V	T	E	E	E	L	A	K	838
HMSG11	-	-	-	-	-	-	-	-	-	T	K	Y	V	V	K	I	L	R	R	G	V	K	E	A	L	V	T	E	E	E	A	K	K	867
HMSG14	-	-	-	-	-	-	-	-	-	T	K	H	H	M	K	I	L	R	R	G	V	K	D	V	S	V	T	E	E	E	A	K	K	865
HMSG32	-	-	-	-	-	-	-	-	-	T	E	H	H	V	K	I	L	R	R	G	V	K	D	V	S	V	T	E	E	E	A	K	K	864
HMSG33	-	-	-	-	-	-	-	-	-	T	K	H	H	V	K	I	L	R	R	G	V	K	D	V	S	V	T	E	E	E	A	K	K	856
HMSG35	-	-	-	-	-	-	-	-	-	T	K	H	H	V	K	I	L	R	R	G	V	K	D	V	S	V	T	E	E	E	A	K	K	859
GBHMSG	-	-	-	-	-	-	-	-	-	I	K	H	H	V	K	I	L	R	R	G	V	K	D	V	S	V	T	E	E	E	A	K	K	869

10/13

FIGURE 1J

RMSGGP3	A	F	D	A	T	I	A	L	E	S	L	Y	L	E	L	Y	V	L	E	L	A	L	E	L	D	C	G	F	K	E	D	C	927	
HMSGp1	A	F	D	A	T	I	A	L	E	S	L	Y	L	E	L	Y	V	L	E	L	A	L	E	L	D	C	G	F	K	E	D	C	879	
HMSGp3	A	F	D	A	T	I	A	L	E	S	L	Y	L	E	L	Y	V	L	E	L	A	L	E	L	D	C	G	F	K	E	D	C	870	
HMSG11	A	F	D	A	T	I	A	L	E	S	L	Y	L	E	L	Y	V	L	E	L	A	L	E	L	D	C	G	F	K	E	D	C	899	
HMSG14	A	F	D	A	T	I	A	L	E	S	L	Y	L	E	L	Y	V	L	E	L	A	L	E	L	D	C	G	F	K	E	D	C	897	
HMSG32	A	F	D	A	T	I	A	L	E	S	L	Y	L	E	L	Y	V	L	E	L	A	L	E	L	D	C	G	F	K	E	D	C	896	
HMSG33	A	F	D	A	T	I	A	L	E	S	L	Y	L	E	L	Y	V	L	E	L	A	L	E	L	D	C	G	F	K	E	D	C	888	
HMSG35	A	F	D	A	T	I	A	L	E	S	L	Y	L	E	L	Y	V	L	E	L	A	L	E	L	D	C	G	F	K	E	D	C	891	
GBHMSG	A	F	D	A	T	I	A	L	E	S	L	Y	L	E	L	Y	V	L	E	L	A	L	E	L	D	C	G	F	K	E	D	C	901	
RMSGGP3	P	D	T	K	Q	C	E	K	N	I	D	T	L	C	K	L	E	P	H	T	I	E	K	P	H	T	I	E	K	T	I	E	958	
HMSGp1	K	-	C	K	D	C	K	E	K	I	E	C	I	C	K	S	L	E	P	H	T	I	E	K	P	H	T	I	E	K	T	I	E	910
HMSGp3	D	-	C	K	D	C	K	E	K	I	E	C	I	C	K	S	L	E	P	H	T	I	E	K	P	H	T	I	E	K	T	I	E	901
HMSG11	D	G	L	K	E	E	C	K	K	I	E	C	I	C	K	S	L	E	P	H	T	I	E	K	P	H	T	I	E	K	T	I	E	929
HMSG14	K	D	L	K	E	E	C	K	K	I	E	C	I	C	K	S	L	E	P	H	T	I	E	K	P	H	T	I	E	K	T	I	E	927
HMSG32	K	D	L	K	E	E	C	K	K	I	E	C	I	C	K	S	L	E	P	H	T	I	E	K	P	H	T	I	E	K	T	I	E	926
HMSG33	K	D	L	K	E	E	C	K	K	I	E	C	I	C	K	S	L	E	P	H	T	I	E	K	P	H	T	I	E	K	T	I	E	918
HMSG35	K	D	L	K	E	E	C	K	K	I	E	C	I	C	K	S	L	E	P	H	T	I	E	K	P	H	T	I	E	K	T	I	E	921
GBHMSG	D	G	L	K	E	E	C	K	K	I	E	C	I	C	K	S	L	E	P	H	T	I	E	K	P	H	T	I	E	K	T	I	E	931
RMSGGP3	T	K	T	E	T	K	T	E	V	T	T	E	T	K	E	I	A	D	E	K	T	V	E	K	T	V	E	T	E	T	K	-	K	990
HMSGp1	-	-	T	T	I	T	T	T	T	T	T	T	T	K	E	I	A	D	E	K	T	V	E	K	T	V	E	T	E	T	-	-	-	930
HMSGp3	-	-	T	T	T	T	T	T	T	T	T	T	T	K	E	I	A	D	E	K	T	V	E	K	T	V	E	T	E	T	-	-	-	919
HMSG11	-	-	T	T	T	T	T	T	T	T	T	T	T	K	E	I	A	D	E	K	T	V	E	K	T	V	E	T	E	T	-	-	-	947
HMSG14	-	-	T	T	T	T	T	T	T	T	T	T	T	K	E	I	A	D	E	K	T	V	E	K	T	V	E	T	E	T	-	-	-	945
HMSG32	-	-	T	T	T	T	T	T	T	T	T	T	T	K	E	I	A	D	E	K	T	V	E	K	T	V	E	T	E	T	-	-	-	944
HMSG33	-	-	T	T	T	T	T	T	T	T	T	T	T	K	E	I	A	D	E	K	T	V	E	K	T	V	E	T	E	T	-	-	-	936
HMSG35	-	-	T	T	T	T	T	T	T	T	T	T	T	K	E	I	A	D	E	K	T	V	E	K	T	V	E	T	E	T	-	-	-	939
GBHMSG	-	-	T	T	T	T	T	T	T	T	T	T	T	K	E	I	A	D	E	K	T	V	E	K	T	V	E	T	E	T	-	-	-	949

FIGURE 1K

FIGURE 11

106020"42429460

RMSGGP3	M	M
HMSGp1	M	I
HMSGp3	M	I
HMSG11	M	I
HMSG14	M	I
HMSG32	-	-
HMSG33	M	I
HMSG35	M	I
GBHMSG	M	I

1088
1014
1002
1028
1026
1008
1017
1022
1030

WO 00/09760

PCT/US99/18750

FIGURE 1M